

Resultados del Proyecto PROCURE en la Sesión Plenaria de SEOM2026

IDENTIFICAN GENES RELACIONADOS CON EL RIESGO DE NEUMONITIS POR TRASTUZUMAB-DERUXTECÁN EN PACIENTES CON CÁNCER DE MAMA

- Las señales de riesgo más potentes se encontraron en una región relacionada con el sistema inmunológico, conocida como locus HLA, especialmente cerca del gen HLA-F, así como en genes como el SLCO1B1 y el CYP3A4.
- La validación de estos biomarcadores genéticos permitiría que, mediante un análisis previo, se pueda predecir el nivel de riesgo de cada paciente de manera individualizada.
- El T-DXd ha demostrado aportar un beneficio clínico significativo en la supervivencia de las pacientes con tumores tanto HER2 positivos como con baja expresión de HER2, sin embargo, puede ocasionar neumonitis en un 10% de las pacientes, pudiendo llegar a ser grave y obligar a suspender el tratamiento.

Madrid, 2 de octubre de 2026.- El proyecto PROCURE, un estudio en el que han participado 27 hospitales de toda España, ha identificado genes relacionados con el riesgo de neumonitis en pacientes con cáncer de mama tratadas con el fármaco innovador trastuzumab deruxtecán (T-DXd). Concretamente, las señales de riesgo más potentes se encontraron en una región relacionada con el sistema inmunológico, conocida como locus HLA, especialmente cerca del gen HLA-F, así como en genes como el SLCO1B1 y el CYP3A4, que actúan en la ruta metabólica del fármaco.

El objetivo del proyecto PROCURE es analizar las variaciones genéticas entre pacientes que podrían asociarse a un mayor riesgo de desarrollar efectos secundarios, como la neumonitis, relacionados con T-DXd. En el estudio, presentado en la Sesión Plenaria del Congreso SEOM2026 por el **Dr. Rodrigo Sánchez-Bayona**, oncólogo médico del Hospital Universitario 12 de Octubre de Madrid, se analizaron 290 mujeres con cáncer de mama avanzado que estaban recibiendo T-DXd. Los análisis se centraron en estudiar genes específicos encargados del metabolismo del fármaco. Del total de pacientes incluidas, un 11% de la cohorte desarrolló neumonitis, y se encontró que este riesgo estaba asociado estadísticamente con algunos de los genes analizados como la región locus HLA, SLCO1B1 y CYP3A4.

Gracias a estos hallazgos, subraya el Dr. Sánchez-Bayona, “podemos comprender mejor los motivos biológicos ocultos tras la toxicidad pulmonar de este tratamiento. El estudio PROCURE continúa en la actualidad y cuenta ya con más de 450 pacientes incluidas. En un futuro cercano, la validación de estos biomarcadores genéticos permitiría que, mediante un análisis previo, se pueda predecir el nivel de riesgo de cada paciente de manera individualizada. Esto supondrá poder anticiparse al problema, estratificar el riesgo y personalizar las pautas del tratamiento, logrando maximizar el beneficio del T-DXd de una forma más segura para las pacientes”.

El tratamiento del cáncer de mama avanzado ha experimentado una auténtica revolución en los últimos años gracias a fármacos innovadores como el T-DXd. Este medicamento ha

demostrado aportar un beneficio clínico significativo en la supervivencia de las pacientes, tanto en aquellas con tumores HER2 positivos como con baja expresión de HER2. Sin embargo, este fármaco puede ocasionar neumonitis, una inflamación del tejido pulmonar en aproximadamente un 10% de las pacientes, pudiendo llegar a ser grave y, en ocasiones, obligar a la suspensión del tratamiento. Hoy en día, no podemos predecir qué pacientes presentan una predisposición a sufrir esta complicación, lo que limita la seguridad del fármaco.

Para dar una respuesta a este problema clínico, surgió el Proyecto PROCURE, un estudio que ha sido galardonado en 2026 como finalista en los premios del Grupo Español de Pacientes con Cáncer (GEPAC). Además, el estudio cuenta con el respaldo de una beca del Fondo de Investigaciones Sanitarias (FIS), concedida por el Gobierno de España, lo que subraya su importancia estratégica para nuestro sistema de salud. Los primeros resultados del estudio se publicaron en abril de 2026 en la revista *ESMO Open*.

Las sesiones de SEOM2026 se pueden seguir por X @_SEOM e IG (@seom_oncologia) con el hashtag #SEOM26.

Sobre SEOM

La Sociedad Española de Oncología Médica (SEOM) es una sociedad científica de ámbito nacional, sin ánimo de lucro, constituida por más de 3.700 profesionales del ámbito de la Oncología, con el objetivo de mejorar la prevención, el diagnóstico, el tratamiento y el seguimiento del cáncer con un enfoque multidisciplinar. Para ello promueve estudios, actividades formativas y de investigación, divulgación e información dirigidos a sus socios, los pacientes y la sociedad en general.

SEOM es el referente de opinión sobre la Oncología en España y es garante de la defensa y promoción de la calidad, la equidad y el acceso a la atención del paciente oncológico. Los valores que la definen son: rigor científico, excelencia profesional, innovación, integridad, compromiso, independencia, colaboración y transparencia. Para saber más sobre la Sociedad Española de Oncología Médica, puede visitar su página oficial <http://www.seom.org> o seguirnos en nuestro canal de Instagram @seom_oncologia, Twitter @_SEOM o LinkedIn @sociedad-española-de-oncología-médica.

Para más información y gestión de entrevistas

Departamento Comunicación SEOM:

Mayte Brea: 663 93 86 42 - maytebrea@seom.org

José García: 663 93 86 40 - josegarcia@seom.org

Marisa Barrios: 638 22 94 98 – marisabarrios@seom.org