

Sesión Plenaria de SEOM2023

HALLAN OCHO GENES QUE PODRÍAN MEJORAR LA SELECCIÓN DE PACIENTES A TRATAR CON INMUNOTERAPIA EN CÁNCER DE PULMÓN

- La inmunoterapia ha sido uno de los campos de la Oncología que más ha avanzado.
- Los bloqueadores de puntos de control inmunes se han mostrado especialmente útiles en el cáncer de pulmón de célula no pequeña.
- Se han encontrado 52 variantes genéticas que se han asociado a respuesta a la inmunoterapia y 34 variantes genéticas que se asocian a la supervivencia global.
- Son necesarios más trabajos que aborden la relación de una susceptibilidad del propio paciente respecto a un tratamiento.

Barcelona, 22 de septiembre de 2023.- En los últimos 15 años, la inmunoterapia ha sido uno de los campos de la Oncología que más ha avanzado. Consiste en estimular al sistema inmune del paciente para que sea este el que ataque a los tumores. Nuevos fármacos, como los bloqueadores de puntos de control inmunes, se han mostrado especialmente útiles en el cáncer de pulmón de célula no pequeña.

El Dr. José Carlos Benítez es oncólogo médico de la Unidad Intercentros de los Hospitales Regional y Virgen de la Victoria de Málaga. Además, está vinculado al equipo de investigación del Instituto de Investigaciones Biomédicas de Málaga (IBIMA), que está centrado en el estudio de la inmunoterapia contra el cáncer. “Entre otras líneas de trabajo, desde 2016 en el IBIMA investigamos diferentes tipos de marcadores que puedan predecir la respuesta y el pronóstico de los pacientes a los que se les administra la inmunoterapia. En estos seis años, hemos incluido en nuestro estudio INMUNOMARK 326 pacientes en los que se recolectaron muestras de tejido y sangre. Y, de aquellos de los que podíamos obtener información de su línea germinal, hemos analizado si hay alguna relación entre alguna alteración de los genes de la línea germinal con la respuesta o el pronóstico”, resume.

La mayoría de trabajos en este ámbito se centran en las mutaciones somáticas –las del propio tumor– y sobre biomarcadores en sangre. Pero son escasos los que abordan la relación de una susceptibilidad del propio paciente respecto a un tratamiento.

“Nuestra idea es que no solo debe estudiarse el tumor: también es clave el microambiente tumoral y al propio paciente, tanto respecto a los marcadores inmunológicos como a la genética que hereda”, añade. El trabajo que ha presentado en la Sesión Plenaria del Congreso SEOM2023 se ha basado en este enfoque. La mediana de edad al diagnóstico de los pacientes fue de 64 años, con un 76,6% de hombres, de los que un 78% presentaba enfermedad avanzada al diagnóstico. El tumor más frecuente fue el adenocarcinoma



BARCELONA
PALACIO DE CONGRESOS
(FIRA DE MONTJUÏC)

+ avances. personas. vidas

(73,3%). El 65% de los pacientes recibió bloqueadores de puntos de control inmunes en combinación con quimioterapia.

Nuevas variantes

El resultado más destacado es que, en estos pacientes, se han encontrado 52 variantes genéticas que se han asociado a respuesta a la inmunoterapia y 34 variantes genéticas que se asocian a la supervivencia global.

“En el Congreso SEOM2023 presentamos ocho de estas variantes, que se asocian de forma significativa con la supervivencia global, la supervivencia libre de progresión y a la respuesta de los pacientes a este tratamiento. Hemos comparado estos ocho genes con los diferentes factores pronósticos descritos en la literatura científica y hemos comprobado que algunos de ellos son independientes como factor pronóstico y/o predictivo de respuesta. Son especialmente interesantes cinco de las variantes presentadas, una de estas variantes incluso podría ser un marcador indirecto pronóstico y de respuesta”, describe.

Tras estos hallazgos, la investigación continúa con diferentes análisis, que han permitido confirmar que el modelo de ocho genes permite predecir la respuesta al tratamiento con una elevada sensibilidad y especificidad (75% en ambos casos). Además, se está estudiando su relación con la toxicidad a inmunoterapia, con el objetivo de identificar una firma genética que permita predecir este efecto adverso y su intensidad.

Impulso de la medicina personalizada

“En resumen, son datos preliminares que tenemos que validar. Cuando lo hagamos, como esperamos, se abre una puerta a la Oncología personalizada, permitiendo elegir unas terapias u otras en función del genoma del propio paciente además de sus características clínico-patológicas y de la genética tumoral”, concluye.

Las sesiones de SEOM2023 se pueden seguir por X @_SEOM e IG (@seom_oncologia) con el hashtag #SEOM23.

Sobre SEOM

La Sociedad Española de Oncología Médica (SEOM) es una sociedad científica de ámbito nacional, sin ánimo de lucro, constituida por más de 3.300 profesionales del ámbito de la Oncología, con el objetivo de mejorar la prevención, el diagnóstico, el tratamiento y el seguimiento del cáncer con un enfoque multidisciplinar. Para ello promueve estudios, actividades formativas y de investigación, divulgación e información dirigidos a sus socios, los pacientes y la sociedad en general.

SEOM es el referente de opinión sobre la Oncología en España y es garante de la defensa y promoción de la calidad, la equidad y el acceso a la atención del paciente oncológico. Los valores que la definen son: rigor científico, excelencia profesional, innovación, integridad, compromiso, independencia, colaboración y transparencia. Para saber más sobre la Sociedad Española de Oncología Médica, puede visitar su página oficial <http://www.seom.org> o seguirnos en nuestro canal de Instagram @seom_oncologia, Twitter @_SEOM o LinkedIn @sociedad-española-de-oncología-médica.

Para más información:

Departamento de Comunicación SEOM

Mayte Brea – maytebrea@seom.org – 663 93 86 42

19-22 septiembre 2023

SEOM



BARCELONA
PALACIO DE CONGRESOS
(FIRA DE MONTJUÏC)

+ avances. personas. vidas

José García – josegarcia@seom.org – 663 93 86 40

Marisa Barrios – marisabarrios@seom.org – 652 15 88 24