



Ayudas SEOM - ROCHE Otros proyectos

Introducción

La Sociedad Española de Oncología Médica junto con Roche han financiado seis proyectos en los años 2006-2009, por un total de 98.000 €. Un séptimo proyecto fue financiado por SEOM-FECMA en los años 2008-2009 por un importe de 12.000 €. La relación de los investigadores principales, los títulos de los proyectos y la financiación otorgada a cada uno de ellos se detallan en la tabla 1.

Por área de investigación, el cáncer de mama es el área más destacada con un total de tres proyectos financiados, uno para cáncer de colon, uno para cáncer de páncreas, uno para cáncer de pulmón y otro para melanoma.

Por Comunidades Autónomas, dos proyectos fueron financiados en Madrid y dos en Cataluña, uno en Valencia, uno en Andalucía y otro en el extranjero.

Para la elaboración de este Boletín, se solicitó a los investigadores que enviaran una memoria de sus proyectos a la sede de SEOM. A continuación se describen de forma esquemática los objetivos, los resultados más destacados, las líneas de investigación satélites si las hubiera, las conclusiones, las comunicaciones a congresos y las publicaciones de los proyectos cuyos investigadores remitieron la información solicitada por SEOM entre junio y octubre del 2011.

Tabla 1. Ayudas SEOM-ROCHE para investigación en el extranjero o proyectos. Otras becas

Año	Investigador	Hospital	Título del proyecto	Importe (€)
2006/2007	Dr. Ignacio Juez Martel	Centro Oncológico MD Anderson España. Madrid	Desarrollo preclínico de epicatequinas antitumorales en cáncer de mama.	24.000
2006/2007	Dr. Ignacio Garrido Laguna	Johns Hopkins Hospital. Baltimore	Las Vías de señalización Akt/mTOR y Raf/Erk en el tratamiento del cáncer de páncreas.	25.000
2006/2007	Dra. Clara Montagut Viladot	Hospital del Mar. Barcelona	Estudio de mecanismos de resistencia a fármacos inhibidores de BRAF en melanoma.	25.000
2008/2009	Dra. Rut Porta Balanyá	Hospital Dr. Josep Trueta (ICO). Girona	Estudio de los efectos de la inhibición del EGFR sobre la vía de señalización de la prostaglandina e2 en el cáncer de pulmón de célula no pequeña.	PULMÓN 8.000
2008/2009	Dra. Ana M ^a Santaballa Bertrán	Hospital Universitario La Fe. Valencia	Análisis de los perfiles inmunohistoquímicos de cánceres de mama diagnosticadas clínicamente y los detectados en un programa de cribado.	MAMA 8.000
2008/2009	Dr. Jaime Feliú Batlle	Hospital Universitario La Paz. Madrid	Estudio masivo de los polimorfismos relacionados con el pronóstico y la toxicidad en pacientes con cáncer de colon en estadio II-III tratados de forma adyuvante con esquemas basados en oxaliplatino.	COLON 8.000
2008/2009	Dr. Jose Manuel Baena	Hospital Universitario Puerta del Mar. Cádiz	Estudio Comparativo del seguimiento de largos supervivientes de cáncer de mama: atención especializada vs atención primaria.	SEOM-FECMA 12.000

Análisis de los perfiles inmunohistoquímicos de cánceres de mama diagnosticados clínicamente y los detectados en un programa de cribado

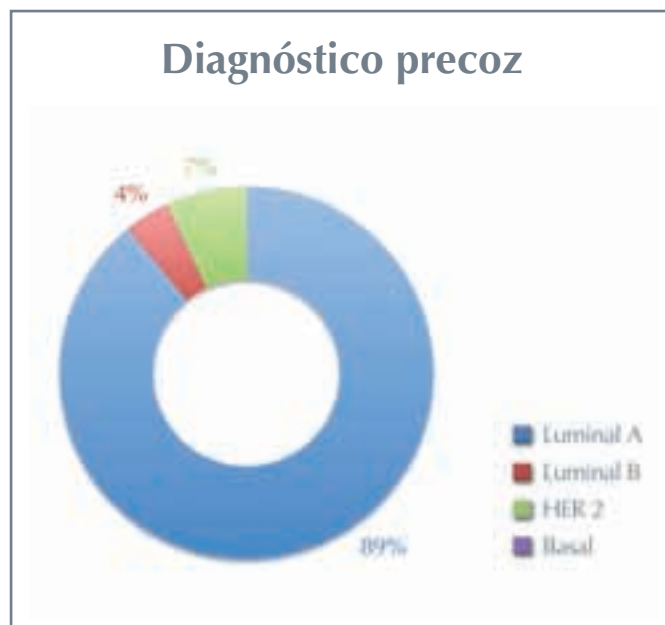
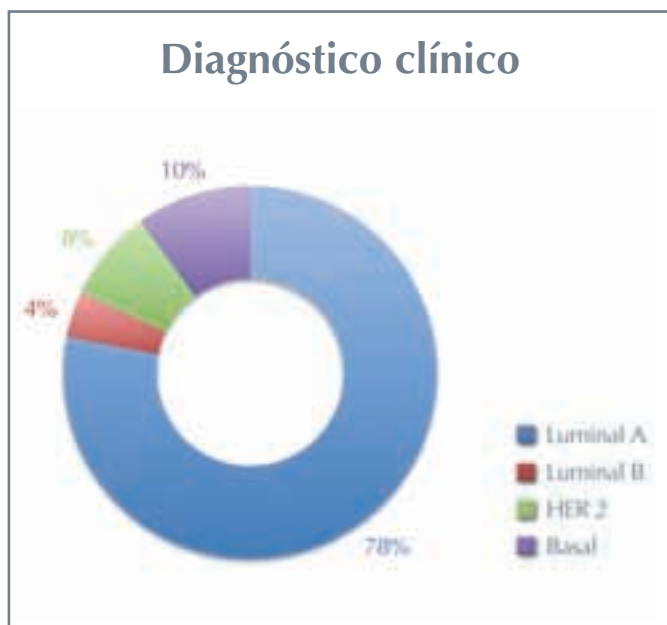
IP: Dra. Ana Santaballa

Objetivos

Determinar estos perfiles en una serie de pacientes con cáncer de mama diagnosticadas en nuestro centro y analizar si existen diferencias entre las pacientes diagnosticadas con cribado mamográfico y las que se diagnosticaron clínicamente.

Resultados más destacados

Las figuras 1 y 2 muestran la distribución de los subtipos en ambos grupos de diagnóstico. Sólo encontraron diferencias en el subtipo HER 2 que se encontraba con más frecuencia en las pacientes diagnosticadas clínicamente.



Este trabajo ha sido recientemente concluido y aún no ha sido objeto de comunicación a congresos o artículo científico.

Estudio masivo de los polimorfismos relacionados con el pronóstico y la toxicidad en pacientes con cáncer de colon en estadio II-III tratados de forma adyuvante con esquemas basados en oxaliplatino

IP: Dr. Jaime Feliú

Objetivos

Identificar SNPs que sean relevantes en la respuesta clínica al tratamiento adyuvante en el CC (determinada por la supervivencia libre de enfermedad a 3 años) y elaborar un sistema predictivo que tenga en cuenta la variabilidad genética interindividual con el fin de identificar a aquellos pacientes que van a obtener beneficio con el tratamiento.

Los objetivos secundarios son:

- Identificar los polimorfismos genéticos relacionados con la activación y/o destoxificación de las fluoropirimidinas y del oxaliplatino que pueden influir en la supervivencia libre de enfermedad (SLE) de los pacientes operados de CC y tratados de forma adyuvante con un esquema basado en Oxaliplatino.
- Identificar los polimorfismos genéticos relacionados con diversas dianas moleculares que pueden influir en la SLE de los pacientes operados de CC y tratados de forma adyuvante con un esquema basado en Oxaliplatino.
- Identificar los polimorfismos genéticos relacionados con el desarrollo de neurotoxicidad secundaria a oxaliplatino.
- Identificar aquellos polimorfismos genéticos relacionados con la aparición de toxicidad digestiva (mucositis y diarrea).
- Determinar los polimorfismos genéticos relacionados con el desarrollo de mielosupresión.
- Elaborar un sistema predictivo que permita identificar qué pacientes se beneficiarán de los actuales esquemas de quimioterapia adyuvante basada en oxaliplatino.

Líneas de investigación satélites

Estudio de polimorfismos relacionados con la respuesta a la neoadyuvancia en el cáncer de recto estadio II y III.

Comunicaciones a congresos

- Estudio masivo de los polimorfismos de nucleótido único (SNP) relacionados con el pronóstico en pacientes con cáncer de colon (CC) estadios II-III tratados con quimioterapia (CT) adyuvante basada en oxaliplatino. Ha sido aceptada para la SESIÓN DE COMUNICACIONES ORALES 2: COLORRECTAL con el número O-10.
- Estudio masivo de los polimorfismos de nucleótido único (SNP) relacionados con la toxicidad en pacientes con cáncer de colon estadios II-III tratados de forma adyuvante con quimioterapia basada en oxaliplatino ha sido aceptada en la modalidad de PÓSTER con el número P-314.